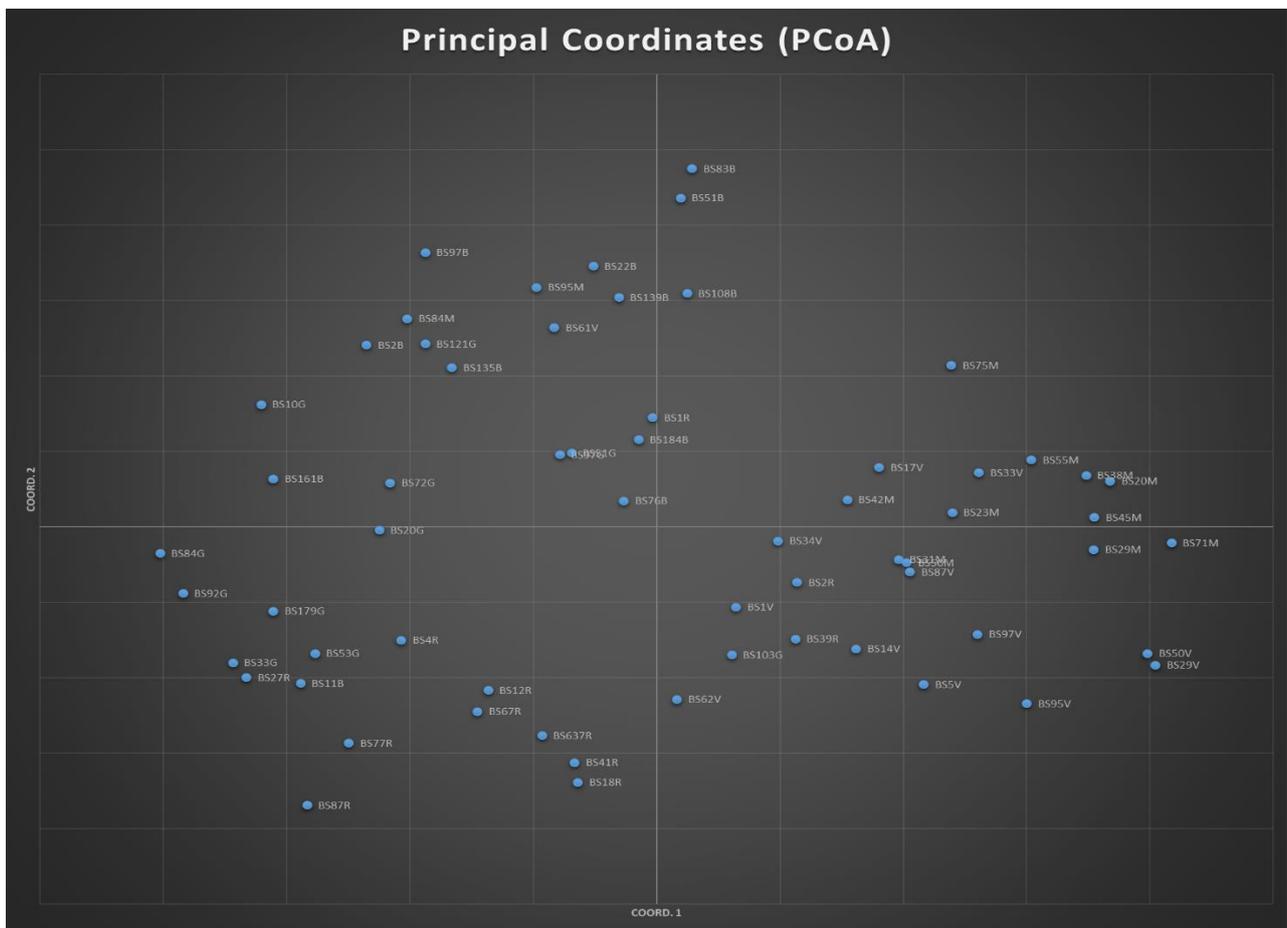




## Servizio di Analisi Laboratorio di Genetica Molecolare Animale

# Bianca di Saluzzo UNITO 2023 Valutazione Variabilità GENETICA

Sono stati caratterizzati geneticamente 62 soggetti maschi appartenenti alla razza Bianca di Saluzzo



L'analisi delle componenti principali evidenzia la variabilità genetica esistente nel gruppo campionato. Il grafico illustra la distribuzione dei soggetti in termini di diversità genetica (i soggetti più simili sono vicini nel grafico e quelli più distanti

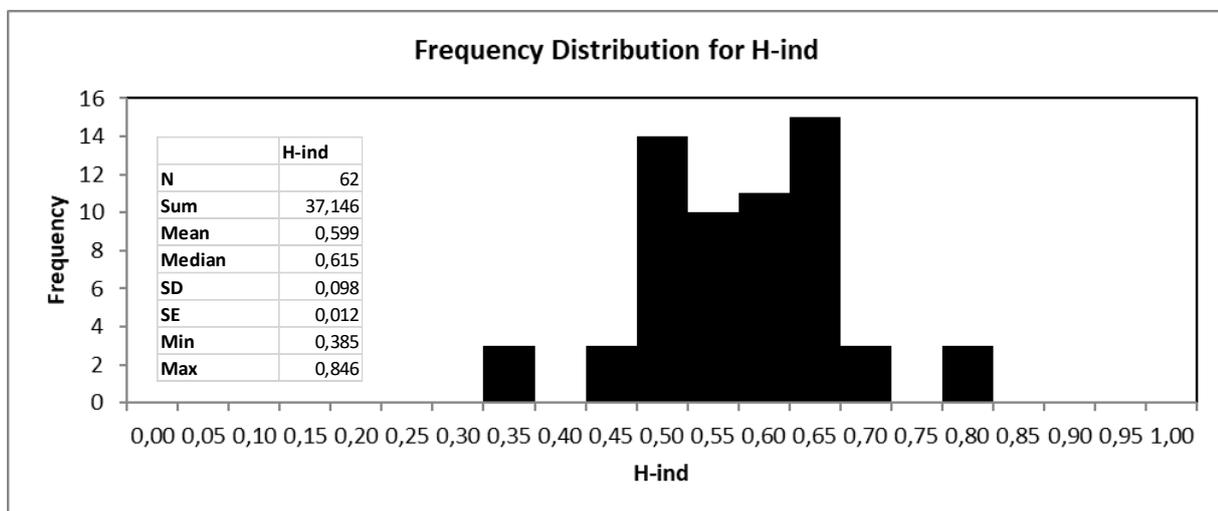
geneticamente sono lontani). Si osserva il distacco di alcuni soggetti che potrebbe essere dovuto all'esiguo numero di campioni.

## Valutazione CONSANGUINEITA'

---

Come stima della consanguineità è stata analizzata l'**eterozigosi media osservata** ( $H_o=0.60$ ), riportata nel grafico sottostante, insieme alla mediana, deviazione standard (SD), errore standard (SE), valore massimo e minimo; i valori di media e mediana sono molto simili.

Il grafico mostra la distribuzione della consanguineità molecolare individuale (Hind) nella popolazione analizzata. La distribuzione complessiva segue un andamento a campana, con leggero spostamento della distribuzione verso sinistra (valori bassi di variabilità individuale) indice di consanguineità moderata.



# INDICI di Variabilità

---

Per i piani di accoppiamento sono stati stimati l'indice di variabilità individuale (H-ind) e l'indice di parentela (P) medio rispetto a tutti i soggetti analizzati. I soggetti con H-ind più elevato permettono di conservare una variabilità genetica maggiore mentre quelli con P più bassi permettono di contenere l'incremento di consanguineità.

**H-ind**= indice di Variabilità Genetica Individuale, varia da 0 a 1, valori alti indicano una più alta variabilità genetica del soggetto e sono preferibili nella scelta dei riproduttori

**P**= indice di Parentela Media, varia da 0 a 1, valori alti indicano un elevato grado di parentela del soggetto con gli altri soggetti appartenenti alla stessa razza, nella scelta di riproduttori sarebbe da preferire valori più bassi di P

**F**= identificativo della linea genetica familiare

## SCelta MASCHI

I maschi sono stati selezionati sulla base dell'indice H-ind e tenendo in considerazione le parentele.

RAZZA	SESSO	FAMIGLIA	ANCI	MARCA	IC%
BS	M	1	6062	B108	-0,07
BS	M	1	5815	B22	-0,06
BS	M	1	5804	B97	-0,05
BS	M	1	5844	B139	-0,03
BS	M	1	5833	B11	-0,03
BS	M	1	6023	B161	-0,02
BS	M	1	5857	B76	0,01
BS	M	1	5829	B2	0,03
BS	M	1	5876	B83	0,04
BS	M	1	5806	B51	0,05
BS	M	1	5877	B135	0,07
BS	M	1	5802	B184	0,14
BS	M	2	5840	G20	-0,18
BS	M	2	5849	G103	-0,10
BS	M	2	6052	G84	-0,07
BS	M	2	5841	G53	-0,07
BS	M	2	5893	G198	-0,06
BS	M	2	5801	G141	-0,06
BS	M	2	5851	G72	0,02
BS	M	2	5834	G97	0,03
BS	M	2	5891	G92	0,04
BS	M	2	5880	G121	0,08
BS	M	2	5853	G33	0,09

BS	M	2	6005	G51	0,22
BS	M	3	5909	R1	-0,17
BS	M	3	5968	R637	-0,13
BS	M	3	6030	R18	-0,10
BS	M	3	6032	R27	-0,09
BS	M	3	5914	R12	-0,08
BS	M	3	5996	R41	-0,03
BS	M	3	5901	R67	-0,03
BS	M	3	5935	R39	-0,02
BS	M	3	5980	R4	-0,01
BS	M	3	5926	R2	-0,00
BS	M	3	5903	R87	-0,00
BS	M	3	5965	R77	0,00
BS	M	4	5949	V50	-0,18
BS	M	4	5904	V97	-0,04
BS	M	4	5944	V14	-0,02
BS	M	4	5911	V17	-0,01
BS	M	4	5976	V95	-0,01
BS	M	4	6021	V62	-0,00
BS	M	4	5929	V87	0,00
BS	M	4	5951	V34	0,01
BS	M	4	5924	V29	0,02
BS	M	4	6038	V33	0,05
BS	M	4	5975	V5	0,06
BS	M	4	5978	V1	0,07
BS	M	5	6076	M84	-0,05
BS	M	5	6004	M45	-0,05
BS	M	5	6070	M75	-0,05
BS	M	5	6046	R190	-0,04
BS	M	5	6033	V61	0,05
BS	M	5	6094	M42	0,06
BS	M	5	6012	M50	0,07
BS	M	5	6058	M55	0,09
BS	M	5	6098	M29	0,09
BS	M	5	6039	M68	0,10
BS	M	5	6055	M20	0,10
BS	M	5	6035	M31	0,18
BS	M	5	6011	M23	0,18