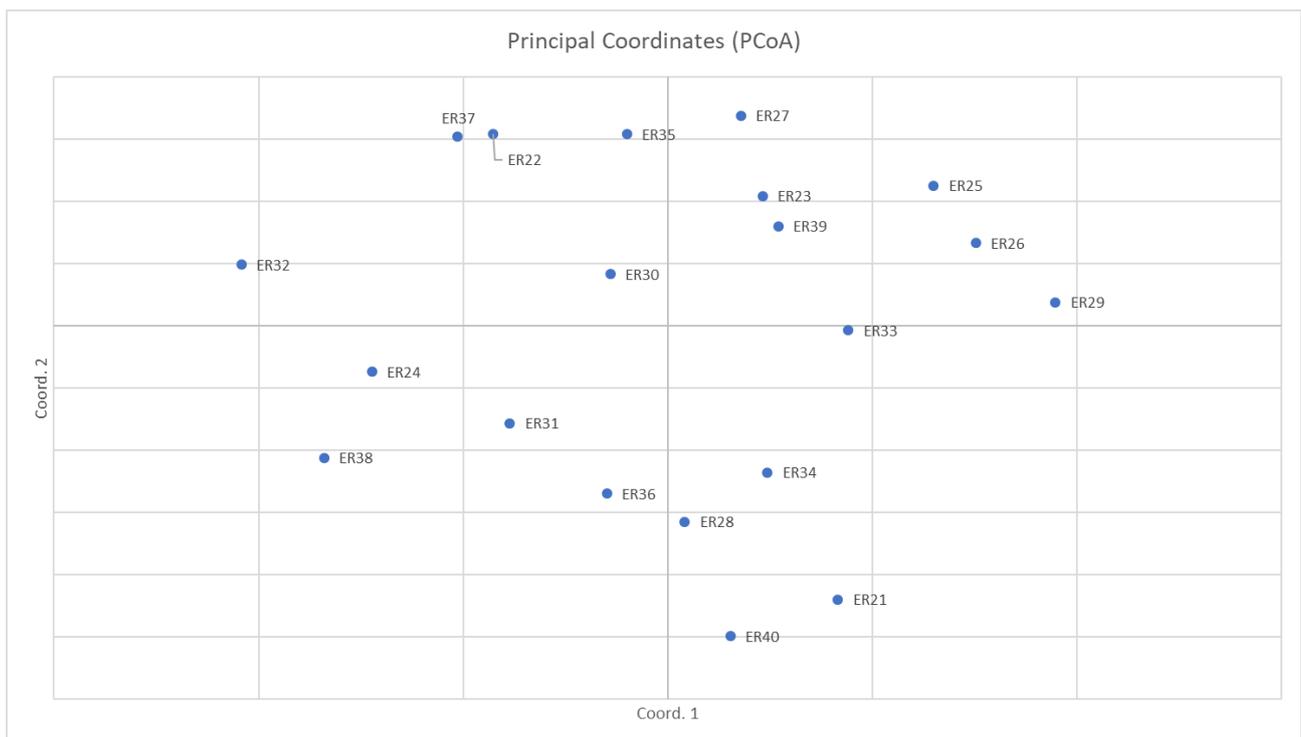




Servizio di Analisi Laboratorio di Genetica Molecolare Animale

ERMELLINATA 2023 UNIMI Valutazione Variabilità Genetica

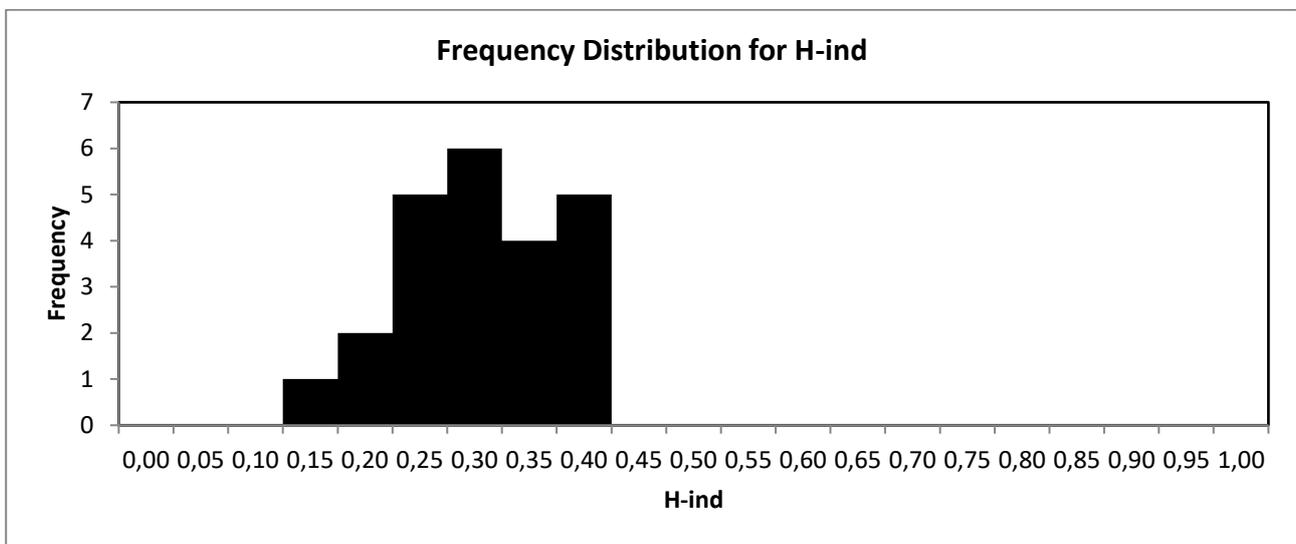
Sono stati caratterizzati geneticamente 20 soggetti maschi appartenenti alla razza Ermellinata (ER), L'analisi delle componenti principali (PCoA) evidenzia la variabilità genetica esistente nel gruppo campionato. Il grafico illustra la distribuzione dei soggetti in termini di diversità genetica (i soggetti più simili sono più vicini nel grafico e quelli più distanti sono geneticamente lontani).



Valutazione CONSANGUINEITA'

Come stima della consanguineità è stata analizzata l'**eterozigosi media osservata** ($H_o=0.23$), riportata nel grafico sottostante, insieme alla mediana, deviazione standard (SD), errore standard (SE), valore massimo e minimo; i valori di media e mediana sono molto simili. La parentela media risulta essere 0.80

Il grafico mostra la distribuzione della consanguineità molecolare individuale (Hind) nella popolazione analizzata. La distribuzione complessiva segue un andamento a campana, con spostamento della distribuzione verso sinistra (valori bassi di variabilità individuale) indice di consanguineità elevata.



Di seguito si riporta anche la distribuzione della consanguineità della popolazione di FEMMINE e quella dei MASCHI.

Piano di accoppiamento

Per i piani di selezione dei maschi, sono stati stimati l'indice di variabilità individuale (H-ind), e la parentela (P).

I maschi sono stati selezionati tenendo conto dell'Indice di conservazione (IC): è un indice che combina i dati molecolari di Parentela e Eterozigosi individuale, varia da 0 a 2; valori alti indicano elevata visibilità genetica e bassa parentela. IC viene espresso come incremento percentuale rispetto alla media della popolazione su cui si è stimata la parentela (IC%). I soggetti con indice IC% più elevato sono preferibili nella scelta dei riproduttori.

MARCA	H-indiv	PS	IC%
ER37	0,038	0,81	-0,51
ER35	0,115	0,82	-0,37
ER26	0,130	0,81	-0,31
ER32	0,154	0,77	-0,17
ER27	0,192	0,79	-0,14
ER29	0,192	0,78	-0,11
ER39	0,231	0,81	-0,10
ER22	0,231	0,80	-0,09
ER25	0,240	0,80	-0,06
ER30	0,231	0,78	-0,04
ER40	0,192	0,73	-0,00
ER31	0,269	0,78	0,04
ER23	0,308	0,80	0,09
ER34	0,269	0,76	0,10
ER38	0,269	0,75	0,12
ER33	0,308	0,75	0,20
ER24	0,346	0,78	0,21
ER21	0,308	0,72	0,25
ER28	0,385	0,72	0,42
ER36	0,462	0,77	0,49